

生物医学数据中的计算与统计方法 小型学术研讨会



复旦大学数学科学学院
2018年11月23日-25日

日程安排

11月23日	
16:00-20:00	报到, 登记入住: 卿云宾馆, 上海市邯郸路 220 号复旦大学校内
18:00	晚餐
11月24日	学术报告: 复旦大学光华东主楼 1501 室
11月25日	自由讨论, 离会

报告日程

上午	
09:00-09:05	开幕
09:05-09:35	卜东波 中科院计算所 Constructing effective energy function for protein structure prediction via broadening attraction-basin and reverse Monte Carlo sampling
09:35-10:05	古槿 清华大学 肿瘤单细胞转录组计算分析的若干问题
10:05-10:35	李丽敏 西安交通大学 Recent work on cross species data analysis and prediction
10:35-11:00	茶歇
11:00-11:30	刘丙强 山东大学 Systematic prediction of regulatory motifs from human ChIP-sequencing data based on a deep learning framework
11:30-12:00	朱山凤 复旦大学 MeSHLabeler, DeepMeSH and FullMeSH: Recent progress in large-scale MeSH indexing
12:00-14:00	午餐
下午	
14:00-14:30	席瑞斌 北京大学 scRMD: Imputation for single cell RNA-seq data via robust matrix decomposition
14:30-15:00	王涛 上海交通大学 An adaptive independence test for microbiome community data
15:00-15:30	茶歇
15:30-16:00	万林 中科院数学与系统科学研究院 高维、异质单细胞数据的可视化与重构
16:00-16:30	祝小雷 安徽农业大学 Protein binding site detection and a binding ligand prediction method based on pocket similarity
16:30-17:00	张淑芹 复旦大学 Integrative biomedical data clustering
18:00	晚餐